





Match line to Fig. 2A

3601 ATCACCAGCCAGTAGCTTGAGTGCCAGCGAAGCACCGGACACGCGCCGATCCGACAGCAACACATCACCGCCACCGTCCGCTCCACACACGTCGCCAGTGTC  
3701 CTGCATCGAACCCCTGACCCAGCAGCTGCGATGACGGGCTGATGGAACTGGTTTGCCTTCTAATTGGGTGTTGGAAATGGACGTAATTGGTAGCTCACG  
3801 TGCCACACAAACGAATTAGTATCGGTAAATATCCTGGCCAAATCGCAATGTGAACCCCAAAATGTATCAGAAATAAACGAGCATTAATCAATAGTTT  
3901 AAAAATTCAGCCAAAACCTTAAATACGAAAATAAGAGCGTGGGTGAAGAACCTTTTGTTCATATTCACATTTCCAAAGCTTTGAGCAATCAAAACAA  
4001 TTTTCATTTTCAGTATACACATATGTATATGAGTTGGCTTTACAAAAGCTATTAAACAAATCAAGCAATTGTGTAATTTAATATGAGACTTTCCGTGATT  
4101 TTTGATTTCTACGTACTTTTCGACTTCAATTGATCTATAGGTTTCCGTATTAAACGAAATTAACGTGGTTTCATTTGATGAAATGCAATATGAGCT  
4201 CGCATTTATTTTGATATTATGACAGTAATAATGATCTGATCAGATAATCGTTTCTCAAAACATAAGCGATACATTTTGGGTACATTTGGCCATTACTG  
4301 TTTCTGTGTGATTTCCGGTATAAATAGTAGTTGATTACATGTTATATGATGAATGGCGATCGGTGGTGTCTAAATGCGTTCCAATTATCAATAA  
4401 TTTTCGTTATGTAAATACGTTTAAATTTGTAAATATGTATGAGTGGAGCTGTGTGATCGTGCAGCATGGGTGTGAATGAACATTAGATCA  
4501 GTGCTCGGATTTGGTTTGTAGTTGAAATTTAAACCCCATTTCCCGATTATCACCTTCGCCCCCAAAACACCATTTGTAAAGAGTACAAA  
4601 AAAAARAAGAAATAGAAAACAAACAAATTAATTTTCCGCTAAGTCTAGAACGTGCTAAACACAACTCATTAATAGTTAAACAAAG  
4701 GGATGTTGCAATCGATGGAAATTAACGCTCGCTTCGCTCGAAGAAAGAGGACTACTACATATGTACAGTCAAACTAATCG  
4801 AGTCAAACTCTTCAGTCTCAGAAATGGAGACTTTTAAAGGTTTATTAAGAATAGCATATTATTTTATATATATATTTATGTATATA  
4901 TATTTATATCACAAATCTCCTTCGATATCCCTTTGTAACTATAAAACACTTCCAGGCGCAGCTTTATTTTCAACAGTTTAAATTTTGGGAACCTTTAC  
5001 AAAGCATATAAGCATACCCCAATCCATATCCCTTATAACTTTGTAGTTTACAAATGTGTTCAAAATTAAGTTGAATTTTCAAGTGTTTT  
5101 AATCCGCTAAATACAATAAATCAATTTTAAATGATCTATGTTACACTTCTATAATGTCTACTGGACAAATATGATTAAGTTGAATTTTCAAGTGTTTT  
5201 TGAAGTTGTACTAACGAAGTTTGCTGTAGTTCAATACACAGAAAGGAGCGAGACATATCCCATCTCGCTCCGACCTGTATCAAGCCTTTGCG  
5301 ATTGTCTTGGCTTGGCTTCTATCACCGGCTATCGGACGGAATATATGATTTTTCGGCCAAAGTGGTCTAGTGAATAATGAAGCGGTGGT  
5401 GGTTCGGGGTTTGGGGAACCGGTTGGTGATGGCGCAGAGAGCGGGGGAACACGTTTCGTTATTTTGTATTTAATTAACCTCGGTTGTCTAGTGT  
5501 TCCTCTAGCTATAAATGTATGCATACATATGCTATTAACTTTTCGTTTGTGTTTGTATTTAATTAACCTCGGTTGTCTAGTGT  
5601 GTAATTAATTAAGTCCAAATGCTAATTCGCCAGCGAATCGTTTGTTCAAACGAGTTGTGCTCTTTAAACACTTTTGGCTTATCCTTTTCAAT  
5701 TAAATTTTGTGTTTTCCTTGGTTGTTATATGTCCAAATAAAATGAAAGTTTGAATTTTGTAGTAAATTTAGTAAATTAACGTAAATGTCAAAAT  
5801 GTCGAGAGGTATACCTGTATAGAATAAATATGTGTAATGTAATTTTAGAACTTGCTAATCTCTAGCAATTAACACATAGCCGTGAATTAACAAATAAT  
5901 TAATTATAAACCAGTAACAGTTTCATGCAATGAACCTTAATAAATAAATAAATAAAGAGATGGAAGTGTTTTCAATCAATGAAGTTACTTC  
6001 CTATTTTCAGGAGTTGGAATGTTACACTTTTATAGCTGATTTGAAATGCGGCCACATTAATCTGCCTTGGCGCACGCAATTCAGCCGAATAACG  
6101 GCGAATTAACCTCCCTCAGAGGTGAGTTTGAACCTATCGATTATAATCGATTCCATTTCGGAACAAACACACCTTGAGTTTGGTCAGATCGGTTTGGCG  
6201 GGGATAAATAAATAATTAATGTTTCTTTG

Fig. 2B



	10	20	30	40	50	60	70	80
1	CCAAAAATAAGAACTAAAAGCTGCAAAAGTAATAAAAAATATATTTTAGCCGAAAAAATTTCCATAATAACAATTCTAGA NetGen							
1	[...].AAATAAGAACTAAAAGCTGCAAAAGTAATAAAAAATATATTTTAGCCGAAAAAATTTCCATAATAACAATTCTAGA cDNA							
	90	100	110	120	130	140	150	160
81	AGTGGGAGCGTACACCCCTGTTATGGAGAGTGACGATTTTTCATTTACCGCAAGGCGCCAATTAAAGGGGAAAAATCCATAA NetGen							
77	AGTGGGAGCGTACACCCCTGTTATGGAGAGTGACGATTTTTCATTTACCGCAAGGCGCCAATTAAAGGGGAAAAATCCATAA cDNA							
	170	180	190	200	210	220	230	240
161	ATCGAGGATTACAAGTGGAATAACAAGGAGGCAGTAACCTCCAGAAAAACGCCCAAAAGTCCAAAAATGGCAGCACCCAGAGAC NetGen							
157	ATCGAGGATTACAAGTGGAATAACAAGGAGGCAGTAACCTCCAGAAAAACGCCCAAAAGTCCAAAAATGGCAGCACCCAGAGAC cDNA							
	250	260	270	280	290	300	310	320
241	GGCAACACGGGCTCCACAGGATCCGCTGGCTCGACAGGATCGGGATCGGGATCGGGAAAGTGGGAGCTCCTCAG NetGen							
237	GGCAACACGGGCTCCACAGGATCCGCTGGCTCGACAGGATCGGGATCGGGATCGGGAAAGTGGGAGCTCCTCAG cDNA							
	330	340	350	360	370	380	390	400
321	ATCCAGCGAATGGACGGGAGGCCCGTAACCTTGCCGAAAAACAGCGACGGGATAAGCTTAATGCCAGCATCCAGGAGCTG NetGen							
317	ATCCAGCGAATGGACGGGAGGCCCGTAACCTTGCCGAAAAACAGCGACGGGATAAGCTTAATGCCAGCATCCAGGAGCTG cDNA							
	410	420	430	440	450	460	470	480
401	GCCACCATGGTACCACATGCAGCCGGAATCCTCCCGTCGCCCTGGACAAAAACCGCCGTCCTTAGATTGCGCCACCCATGGCCT NetGen							
397	GC[ ]ACCATGGTACCACATGCAGCCGGAATCCTCCCGTCGCCCTGGACAAAAACCGCCGTCCT[ ]AGATT[ ]GCCACCCATGGCCT cDNA							
	490	500	510	520	530	540	550	560
481	GAGACTTCAGTATGTCTTTGGCAAGTCCGCTTCCAGACGTCGCAAGAAAAACCGGCCCTCAAGGGAAACGGGTATGTCTGCCT NetGen							
477	GAGACTTCAGTATGTCTTTGGCAAGTCCGCTTCCAGACGTCGCAAGAAA[ ]CCGGCCCTCAAGGGAAACGGGTATGTCTGCCT cDNA							

Match line to Fig. 3B

Fig. 3A



Match line to Fig. 3A

570	580	590	600	610	620	630	640
561	CACCTGTCGGAGATCTACCCCAATCCCAAGTCTGCATCTAACGGACACTCTAATGCAACTGCTGGACTGCTGCTTCCCTCACC	NetGen					
557	CACCTGTCGGAGATCTACCCCAATCCCAAGTCTGCATCTAACGGACACTCTAATGCAACTGCTGGACTGCTGCTTCCCTCACC	cDNA					
650	660	670	680	690	700	710	720
641	CTAACCTGCAGTGGCCAAATCGTTTTGGTATCCACCAGCGTGGAGCAGCTATTGGGTCACTGTCACTCCGATTTGTATGG	NetGen					
637	CTAACCTGCAGTGGCCAAATCGTTTTGGTATCCACCAGCGTGGAGCAGCTATTGGGTCACTGTCACTCCGATTTGTATGG	cDNA					
730	740	750	760	770	780	790	800
721	CCAGAACTCTACTGCAGATCACGCATCCCGATGATCAGGATCTGTTAAGACAGCAGCTAATACCCAGGGATATAGAGACCCC	NetGen					
717	CCAGAACTCTACTGCAGATCACGCATCCCGATGATCAGGATCTGTTAAGACAGCAGCTAATACCCAGGGATATAGAGACCCC	cDNA					
810	820	830	840	850	860	870	880
801	TGTTCTATCAGCATCAGCACCCACGACGAGGGGCACAAATCCCCAGCAGCACTCCACTTCCACGTCGGCCTCAGCTTCG	NetGen					
797	TGTTCTATCAGCATCAGCACCCACGACGAGGGGCACAAATCCCCAGCAGCACTCCACTTCCACGTCGGCCTCAGCTTCG	cDNA					
890	900	910	920	930	940	950	960
881	GGCAGTGATCTGGAGGAGGAGGAAATGGAGACGGAGGAACACCGTCTGGGTCGGCAGCAGGAGAGGGACGATGACGA	NetGen					
877	GGCAGTGATCTGGAGGAGGAGGAAATGGAGACGGAGGAACACCGTCTGGGTCGGCAGCAGGAGAGGGACGATGACGA	cDNA					
970	980	990	1000	1010	1020	1030	1040
961	GGATCACCCGTACAACCGACGAACACCCAGCCCGCGGAGAAATGGCCCCATTTGGCGACCAATTGATGACCCGACTACGCA	NetGen					
957	GGATCACCCGTACAACCGACGAACACCCAGCCCGCGGAGAAATGGCCCCATTTGGCGACCAATTGATGACCCGACTACGCA	cDNA					
1050	1060	1070	1080	1090	1100	1110	1120
1041	ATCGGCGCTGCTTTACCGTCCGCTTGGCTAGGGCTTCCACGCGAGCGGAGGCCACGCGTCAATTACGAGCGGGTTAAGATC	NetGen					
1037	ATTGGCGCTGCTTTACCGTCCGCTTGGCTAGGGCTTCCACGCGAGCGGAGGCCACGCGTCAATTACGAGCGGGTTAAGATC	cDNA					

Match line to Fig. 3C

Fig. 3B



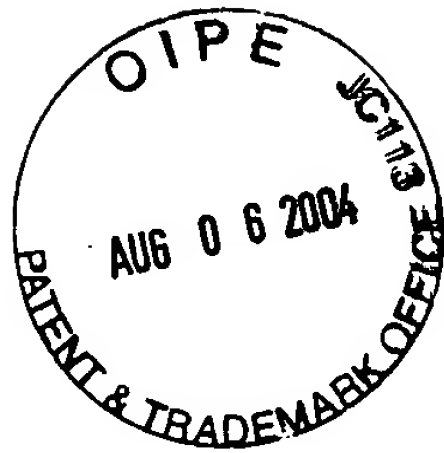
Match line to Fig. 3B

1130	1140	1150	1160	1170	1180	1190	1200
1121	GATGGCTGCTTTCGTGCGCAGTGACTCCTCCTTAACCGGAGGTGCCGCTGCCAACTATCCGATTGTCTCCCAGCTGATACG	NetGen					
1117	GATGGCTGCTTTCGTGCGCAGTGACTCCTCCTTAACCGGAGGTGCCGCTGCCAACTATCCGATTGTCTCCCAGCTGATACG	cDNA					
1210	1220	1230	1240	1250	1260	1270	1280
1201	ACGCTCGAGAAACAATAATGCTGGCTGCTGCTGCAGCAGTGGCAGCAGAGCGGCGACGGTGCCGCCCCAGCACGATG	NetGen					
1197	ACGCTCGAGAAACAATAATGCTGGCTGCTGCTGCAGCAGTGGCAGCAGAGCGGCGACGGTGCCGCCCCAGCACGATG	cDNA					
1290	1300	1310	1320	1330	1340	1350	1360
1281	CCATTGCCCAGCGCGGCTGCACGGGATTAGCGGGCAATGATATTGTCTCTGGTGGCCATGGCCAGGGTGCTGCCGAGAGGAA	NetGen					
1277	CCATTGCCCAGCGCGGCTGCACGGGATTAGCGGGCAATGATATTGTCTCTGGTGGCCATGGCCAGGGTGCTGCCGAGAGGAA	cDNA					
1370	1380	1390	1400	1410	1420	1430	1440
1361	CGGCCGCTGAGGAGACGGAGGGTACAGTGGGCTTGACCATTTACAGACAGCCAGAACCCCTATCAGTTGGAGTACCATAC	NetGen					
1357	CGGCCGCTGAGGAGACGGAGGGTACAGTGGGCTTGACCATTTACAGACAGCCAGAACCCCTATCAGTTGGAGTACCATAC	cDNA					
1450	1460	1470	1480	1490	1500	1510	1520
1441	GAGGCATCTAATCGACGGCAGCATCATCGACTGTGATCAAGGATTGGTCTGGTGGCGGATATATGAAGGATGAGGTGG	NetGen					
1437	GAGGCATCTAATCGACGGCAGCATCATCGACTGTGATCAAGGATTGGTCTGGTGGCGGATATATGAAGGATGAGGTGG	cDNA					
1530	1540	1550	1560	1570	1580	1590	1600
1521	CTATATTACATCATCTCTCAACTGCTTACGACAACCTAAATCGTGTACTCTCCACTCGAAACAGGTGCCCAACCTTAGG	NetGen					
1517	.....CGCAACCTTAGG	cDNA					
1610	1620	1630	1640	1650	1660	1670	1680
1601	CCCTTCTGTTTCATGCACCTGGACGACGTTTCGCTGGGTGATTGTGGCCCTTCGACAAAATGTACGATTGCAACAGTGACTA	NetGen					
1597	CCCTTCTGTTTCATGCACCTGGACGACGTTTCGCTGGGTGATTGTGGCCCTTCGACAAAATGTACGATTGCAACAGTGACTA	cDNA					

Match line to Fig. 3D

Fig. 3C





Match line to Fig. 3C

1690	1700	1710	1720	1730	1740	1750	1760
1681	CGGCGAGAGCTGCTACCGTCTGCTGTCCGCAACGGCGCTTCA	TTACCTGCACACCAAGGATTTCTGGAGGTCGACC	NetGen				
1677	GGCGAGAGCTGCTACCGTCTGCTGTCCGCAACGGCGCTTCA	TTACCTGCACACCAAGGATTTCTGGAGGTCGACC	cDNA				
1770	1780	1790	1800	1810	1820	1830	1840
1761	GTGGCAGTAATAAGGTGCAATTCCTTTCTGTGCGTCAACACGCTGCTCGATGAGGAGGCGGCGGCAAAAGGTGCAGGAG	NetGen					
1757	GTGGCAGTAATAAGGTGCAATTCCTTTCTGTGCGTCAACACGCTGCTCGATGAGGAGGCGGCGGCAAAAGGTGCAGGAG	cDNA					
1850	1860	1870	1880	1890	1900	1910	1920
1841	ATGAAGGAGAAATTCGACAAATCATCAAGGCGGAGATGCCACGACGACGAGTCCCGATTTGCCCGCCTCGCAGGC	NetGen					
1768	ATGAAGGAGAAATTCGACAAATCATCAAGGCGGAGATGCCACGACGACGAGTCCCGATTTGCCCGCCTCGCAGGC	cDNA					
1930	1940	1950	1960	1970	1980	1990	2000
1921	ACCGCAGCAACTTGAGAGAAATGTCTCTATCTAATAGAGAACCTACAGAAAGAGTGTGGATTTCAGCAGAGACGGTTGGCG	NetGen					
1848	ACCGCAGCAACTTGAGAGAAATGTCTCTATCTAATAGAGAACCTACAGAAAGAGTGTGGATTTCAGCAGAGACGGTTGGCG	cDNA					
2010	2020	2030	2040	2050	2060	2070	2080
2001	GCCAGGGCATGGAAAGCCCTAATGGACGATGGCTACAGTTCGCCAGCAAAATACCTTAACCTCTCGAGGAGTTAGCTCCCTCG	NetGen					
1928	GCCAGGGCATGGAAAGCCCTAATGGACGATGGCTACAGTTCGCCAGCAAAATACCTTAACCTCTCGAGGAGTTAGCTCCCTCG	cDNA					
2090	2100	2110	2120	2130	2140	2150	2160
2081	CCCACGCCCGCCTTGGCCTTGGTGCCCGGCTCCCTCATCGGTCAAGAGCTCCATCTCCAAGTCGGTGAGTGTGTCA	NetGen					
2008	CCCACGCCCGCCTTGGCCTTGGTGCCCGGCTCCCTCATCGGTCAAGAGCTCCATCTCCAAGTCGGTGAGTGTGTCA	cDNA					
2170	2180	2190	2200	2210	2220	2230	2240
2161	TGTGACGGGCGCCAGAAAGTTTCAGCAGGAGCATCAGAAGCAGCGTGAAACGTGACCGTGAGCAGCTTAAGGAGCGCACCA	NetGen					
2088	TGTGACGGGCGCCAGAAAGTTTCAGCAGGAGCATCAGAAGCAGCGTGAAACGTGACCGTGAGCAGCTTAAGGAGCGCACCA	cDNA					

Match line to Fig. 3E

Fig. 3D



Match line to Fig. 3D															
2250	2260	2270	2280	2290	2300	2310	2320								
2241 ACTCCAGCAGGCGTGATCCGGCAACTGAGCAGCTGCCCTAAGCGAGGCGGAAACGGCATCCTGTATCCTATCACCAGCC NetGen															
2168 ACTCCAGCAGGCGTGATCCGGCAACTGAGCAGCTGCCCTAAGCGAGGCGGAAACGGCATCCTGTATCCTATCACCAGCC cDNA															
2330	2340	2350	2360	2370	2380	2390	2400								
2321 AGTAGCTTGAGTGCCAGCGAAGCACCGGACACGCCCGATCCGCACAGCAACACATCACCGCCACCGTCGCTCCACACACG NetGen															
2248 AGTAGCTTGAGTGCCAGCGAAGCACCGGACACGCCCGATCCGCACAGCAACACATCACCGCCACCGTCGCTCCACACACG cDNA															
2410	2420	2430	2440	2450	2460	2470	2480								
2401 TCCCAGTGTCCTGCATCGAACCCCTGACCAGCAGCTGCCGATGACGGGCTGATGGAACCTGGTTTGCCCTTCTAATTGGGTG NetGen															
2328 TCCCAGTGTCCTGCATCGAACCCCTGACCAGCAGCTGCCGATGACGGGCTGATGGAACCTGGTTTGCCCTTCTAATTGGGTG cDNA															
2490	2500	2510	2520	2530	2540	2550	2560								
2481 TGTGGAATGGACGTAATTGGTAGCTCAGCTGCCACAAACGAAATTAGTATCGGTAATAATAATCCTGGCCAATCGCAATG NetGen															
2408 TGTGGAATGGACGTAATTGGTAGCTCAGCTGCCACAAACGAAATTAGTATCGGTAATAATAATCCTGGCCAATCGCAATG cDNA															
2570	2580	2590	2600	2610	2620	2630	2640								
2561 TGAAAACCCAAAATGTATCAGAAAAAACCAGGACATTATTCAAATAGTTTAAAAATTTCAGCCAAAAAACTTAAAAACGAA NetGen															
2488 TGAAAACCCAAAATGTATCAGAAAAAACCAGGACATTATTCAAATAGTTTAAAAATTTCAGCCAAAAAACTTAAAAACGAA cDNA															
2650	2660	2670	2680	2690	2700	2710	2720								
2641 AAAAAAGAGCGTGGGTGAAGAACCCTTTTGTGTTTTCATATTACACATTTCCAAGCTTTGAGCAATCAAAACAATTTTAAATTT NetGen															
2568 AAAAAAGAGCGTGGGTGAAGAACCCTTTTGTGTTTTCATATTACACATTTCCAAGCTTTGAGCAATCAAAACAATTTTAAATTT cDNA															
2730	2740	2750	2760	2770	2780	2790	2800								
2721 CAGTATACACATATGTATAATGAGTTGGCTTTACAAAAGCTATTACAAAATCAAGCAATTGTGTAATTTAATATGAGACT NetGen															
2648 CAGTATACACATATGTATAATGAGTTGGCTTTACAAAAGCTATTACAAAATCAAGCAATTGTGTAATTTAATATGAGACT cDNA															

Match line to Fig. 3F

Fig. 3E



Match line to Fig. 3E

2810	2820	2830	2840	2850	2860	2870	2880	
2801	TTCCGTGATTTT	TGCTTCTACGTACTTT	TCGACTTCAATTGATCTATAGGGTTT	CCGGTTCCCGTATTAAAAACGAAATT	AACGTG	NetGen		
2728	TTCCGTGATTTT	TGCTTCTACGTACTTT	TCGACTTCAATTGATCTATAGGGTTT	CCGGTTCCCGTATTAAAAACGAAATT	AACGTG	cDNA		
2890	2900	2910	2920	2930	2940	2950	2960	
2881	GTTTCATTTGATG	AAAAATGCAATATGAGCTCGCATTTT	TGATATTTTGATATTAATGACAGTAA	TATGATCTGATCACGATAATC	NetGen			
2808	GTTTCATTTGATG	AAAAATGCAATATGAGCTCGCATTTT	TGATATTTTGATATTAATGACAGTAA	TATGATCTGATCACGATAATC	cDNA			
2970	2980	2990	3000	3010	3020	3030	3040	
2961	GTTTTCTCAAAAC	ATAAGCGATACATTTTGGGTACATTT	TGGCCATTACTGT	NetGen				
2888	GTTTTCTCAAAAC	ATAAGCGATACATTTTGGGTACATTT	TGGCCATTACTGT	TTCTGTGTGATTTCCGGTATAAA	AGT	cDNA		
3050	3060	3070	3080	3090	3100	3110	3120	
3011	AGTTTGATTACAT	GTATATTGATGAATGGCGATCGGTGG	GTGCTAAATGCCCTTCCATTATCA	ATAATTTTCGTTAT	NetGen			
2968	AGTTTGATTACAT	GTATATTGATGAATGGCGATCGGTGG	GTGCTAAATGCCCTTCCATTATCA	ATAATTTTCGTTAT	cDNA			
3130	3140	3150	3160	3170	3180	3190	3200	
3011	GTAATTACGTTTA	ATTGTAAATATGTAGTGCGAGCGTGAGTGAGTT	TGTGATCGTGTGATGAGTAA	TGAA	NetGen			
3048	GTAATTACGTTTA	ATTGTAAATATGTAGTGCGAGCGTGAGTGAGTT	TGTGATCGTGTGATGAGTAA	TGAA	cDNA			
3210	3220	3230	3240	3250	3260	3270	3280	
3011	CATTAGATCAGTG	CTCGGATTTGGTTTAGTTGAAATTTAA	ACCCCATTTCCCGATTTCCAGTTAT	CACCTTCCGCCC	NetGen			
3128	CATTAGATCAGTG	CTCGGATTTGGTTTAGTTGAAATTTAA	ACCCCATTTCCCGATTTCCAGTTAT	CACCTTCCGCCC	cDNA			
3290	3300	3310	3320	3330	3340	3350		
3011	CAAAACACCA	TTGTAAAGAGGTACAAAAAAGAAAGAA	AAATAGAAAAACAAAAA	AAAAA	NetGen			
3208	CAAAACACCA	TTGTAAAGAGGTACAAAAAAGAAAGAA	AAATAGAAAAACAAAAA	AAAAA	cDNA			

Fig. 3F





1	MAA	PET	GN	TG	ST	GS	AG	ST	TG	SG	SG	SG	SG	SG	SS	SS	SD	PA	NG	RE	A	AA	Genomic
1	MAA	PET	GN	TG	ST	GS	AG	ST	TG	SG	SG	SG	SG	SG	SS	SS	SD	PA	NG	RE	A	AA	cDNA
41	RNL	AEK	QRR	DK	LN	AS	IQ	EL	AT	MP	HA	ES	SR	RL	DK	TA	VL	R	AA	Genomic			
41	RNL	AEK	QRR	DK	LN	AS	IQ	EL	AT	MP	HA	ES	SR	RL	DK	TA	VL	R	AA	Genomic			cDNA
81	RAT	HEL	RL	QY	VF	GK	SA	SR	RR	KK	TG	LK	GT	GM	SA	SP	VG	DL	PN	AA	Genomic		
81	RAT	HEL	RL	QY	VF	GK	SA	SR	RR	KK	TG	LK	GT	GM	SA	SP	VG	DL	PN	AA	Genomic		cDNA
121	PSL	HL	TD	TL	MQ	LL	DC	CF	LT	LC	SG	QI	VL	VS	TS	VE	QL	LGH	C	AA	Genomic		
121	PSL	HL	TD	TL	MQ	LL	DC	CF	LT	LC	SG	QI	VL	VS	TS	VE	QL	LGH	C	AA	Genomic		cDNA
161	QSD	LY	GQ	NLL	QI	TH	PD	DD	QD	LL	RQ	QL	I	PR	DI	ET	LF	YQ	HQ	HH	AA	Genomic	
161	QSD	LY	GQ	NLL	QI	TH	PD	DD	QD	LL	RQ	QL	I	PR	DI	ET	LF	YQ	HQ	HH	AA	Genomic	cDNA
201	QQQ	GH	N	P	Q	Q	H	S	T	S	A	S	K	S	G	S	D	L	E	E	E	E	Genomic
201	QQQ	GH	N	P	Q	Q	H	S	T	S	A	S	A	S	G	S	D	L	E	E	E	E	cDNA
241	EAD	DD	ED	H	P	Y	N	R	R	T	P	S	P	R	R	MA	H	L	A	T	I	DD	Genomic
241	EAD	DD	ED	H	P	Y	N	R	R	T	P	S	P	R	R	MA	H	L	A	T	I	DD	cDNA
281	LAR	AST	RA	EAT	R	H	Y	ER	V	K	I	D	G	C	F	R	R	S	D	S	S	L	Genomic
281	LAR	AST	RA	EAT	R	H	Y	ER	V	K	I	D	G	C	F	R	R	S	D	S	S	L	cDNA
321	V	S	Q	L	I	R	R	S	R	N	N	M	L	A	A	A	A	V	A	A	E	A	Genomic
321	V	S	Q	L	I	R	R	S	R	N	N	M	L	A	A	A	A	V	A	A	E	A	cDNA
361	G	I	S	G	N	D	I	V	L	V	A	M	A	R	V	L	R	E	E	R	P	P	Genomic
361	G	I	S	G	N	D	I	V	L	V	A	M	A	R	V	L	R	E	E	R	P	P	cDNA

Match line to Fig. 4B

Fig. 4A





1 ATGGCAGCACGAGACGGGCAACACGGGCTCCACAGGATCCGCTGGCTCGACAGGATCGGGATCGGGATCGGGAAGTGGGAGC A  
1 CAGCAGACGCGGGCAACACGGGCACACAGGATCAGCTGGGTCCACA-----GGATCGGGATCGGGAACCTGGGACG B  
91 TCCTCAGATCCAGCGAATGGACGGGAGGCCCGTAACCTTGCCGAAACACAGCGGGAAGCTTAATGCCAGCATCCAGGAGCT A  
72 TCCGCAGATCCAGCGAATGGACGGGAGGCCCGCAATCTTGCCGAGGAACAGCGGGAAGCTTAATGCCAGCATCCAGGAGCT B  
181 GGCTACCATGGTACCACATG-CAGCCGAAATCCTCCCGTCGCCCTGGACAAAACCGCCGTCCTTAGATTGCCCAACC A  
158 GGCTACCATGGTACCACATGTCAGCCGAAATCCTCCCGACGCCCTGGACAAAACCGCCGTCCTCAGATTGCCCAACC B

Fig. 5